2020.12.15 @京都大学エネルギー理工学研究所 ゼロエミッションエネルギー研究拠点研究会(Ze研究会) シンビオ社会研究会国内ワークショップ 『先端ICT適用による原子力安全の高度化』

核融合研究における原子レベルでの プラズマと材料の振る舞い

中村 浩章

- 核融合科学研究所・ヘリカル研究部
- 名古屋大学工学系研究科電気工学専攻(併任)

共同研究者

核融合科学研究所

高山有道

伊藤篤史

山形大:斎藤

名大:大野研究室

九大:吉田

富大:波多野

同志社: 剣持、吉川

九工大:安永

京都工繊大:藤原

静大:大矢分子研:斉藤

概要

- ・はじめに
- 1. プラズマと壁との相互作用
- 2. 炭素材の分子動力学シミュレーション
- 3. タングステンの分子動力学シミュレーション
- 4. トリチウム壊変効果のDNA分子動力学シミュレーション
- 5. まとめ

核融合科学研究所の紹介

大学共同利用機関法人

<u>自然科学研究機構 核融合科学研究所</u> 総研大

(岐阜県土岐市)

- ・大型ヘリカル実験装置 (LHD)
- ・理論・シミュレーション





核融合研でのコンピュータ環境



1) スーパーコンピュータ

プラズマシミュレータ雷神



HPCG (High Performance Conjugate Gradients) ベンチマークにて、 国内3位、世界10位。[2020.11.18]

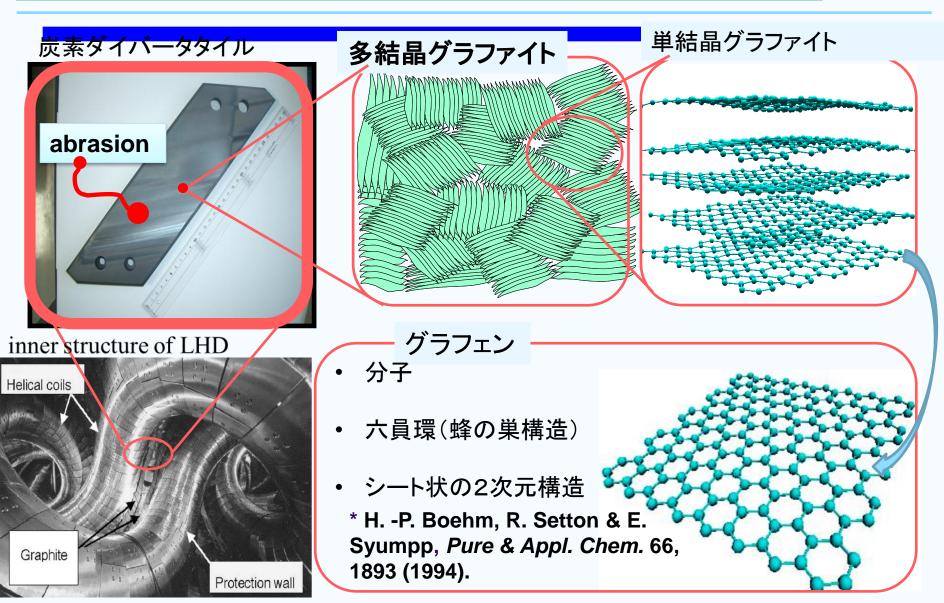
総ラック数	30
モデル名	NEC SX-Aurora TSUBASA A412-8
総ベクトルホスト数	540ノード
総ベクトルエンジン数	4320基
総ベクトルエンジン演算性能	10.5 PFLOPS
総ベクトルエンジン主記憶容量	202TiB
ノード間転送速度(双方向)	10 TB/s

2) バーチャルリアリティー装置

CompleXcope



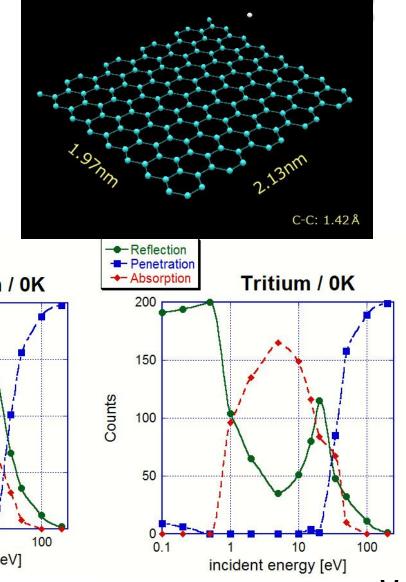
炭素ダイバータタイル材の階層構造

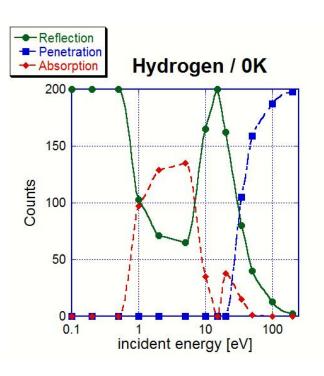


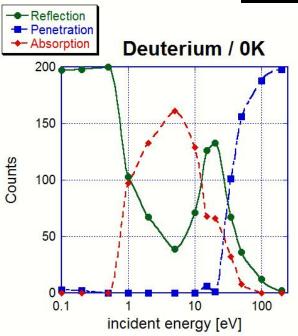
^{*} A. Sagara et al, (LHD Experimental Group), J. Nucl. Mater. 313-316, 1 (2003).

(1)同位体効果

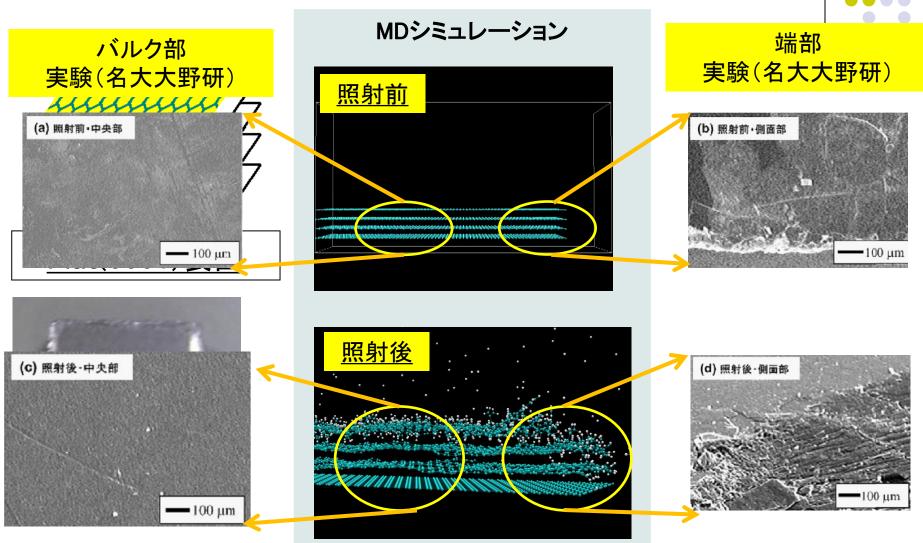
- 単一原子(H, D, T)を単一グラフェンシートに 入射
- Hの質量 1.007947u・Dの質量
 2.0141018u・Tの質量 3.01605u





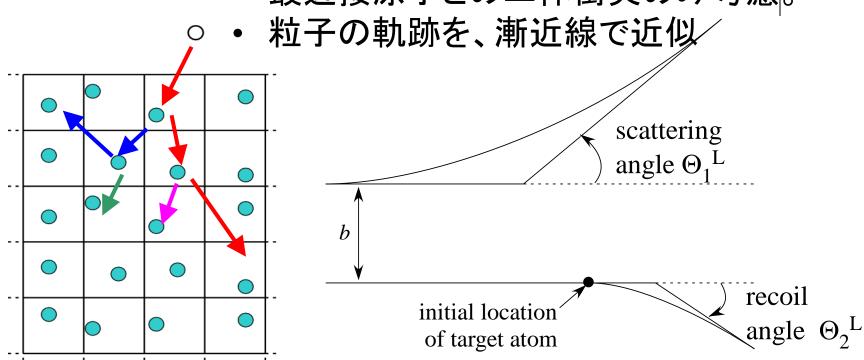


高配行熱分解黒鉛(HOPG)への水素照射 =シミュレーションの予言を実証実験(名大大野研)=



二対衝突近似法

- 周辺原子を無視
- 最近接原子との二体衝突のみ考慮。



Thomas-Fermi Potential (Moliere approximation):

$$V(r) = \frac{Z_1 Z_2 e^2}{r} \Phi(r/a)$$

$$\Phi(x) = A_1 e^{-B_1 x} + A_2 e^{-B_2 x} + A_3 e^{-B_3 x}$$

 Z_1 , Z_2 :atomic number of the projectile atom and the target.

a : screening length

$$A_1 = 0.35, A_2 = 0.55, A_3 = 0.10$$

 $B_1=0.3$, $B_2=1.2$, $B_3=6.0$

8

シミュレーションコード の紹介



$ACAT \supset -F (Y. Yamamura, 1985)$

- ACAT: Atomic Collisions in Amorphous Target
- 標的材料:アモルファスのみ

Y. Yamamura and Y. Mizuno: IPPJ-AM-40, Inst. Plasma Phys., Nagoya University (1985).

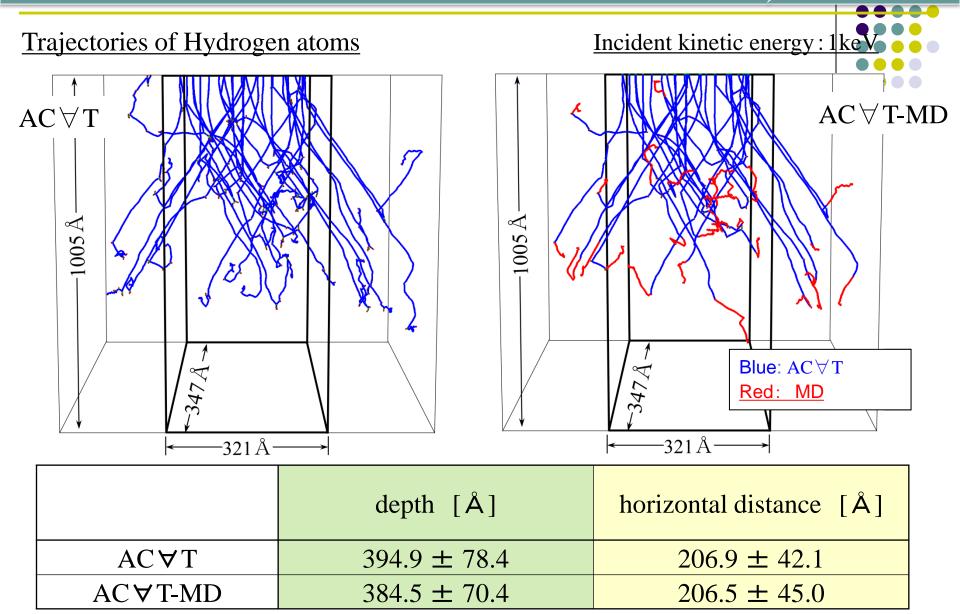


$AC \lor T \supset -F$

- AC ∀ T: Atomic Collisions in Any structured Target
 - 1. 標的材料:任意の構造 (単結晶,多結晶,格子欠陥,アモルファス)
 - 2. 照射損傷による標的材料の構造変化

Arimichi Takayama, Seiki Saito, Atsushi M. Ito, Takahiro Kenmotsu, and Hiroaki Nakamura: Jpn. J. Appl. Phys, **50**, 01AB03, (2011).

結果(AC∀T vs AC∀T-MD)



炭素材からタングステンへ

ITERダイバータ板: 炭素→タングステンへー本化?

課題		カーボン	タングステン
不純物	発生起源	物理&化学スパッタ	物理スパッタのみ
	プラズマへの影響	低Z材	高Z材
トリチウム	蓄積	多い	少ない?
	再堆積	多い	少ない?
耐久性	熱負荷	溶融しない	溶融する
	強度	われない?	われる(Heバブル構造、 ファズ構造)

ファズ(綿毛)構造 (名大大野研・愛工大高村研)

タングステンの脆化の問題

⇒ 構造ができないような条件の特定が必要。 He できる。Ar、Neではできない。 Ar

1)量子力学計算

2)連続体モデル計算

He

名大大野G

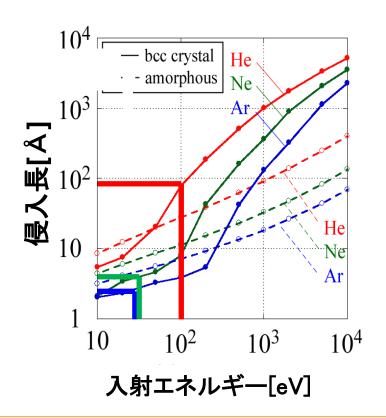
実験報告2: タングステンナノ構造の照射ガス依存性

incident gas	Nano structure in tungsten	
He	生成する	
Ne	しない	
Ar	しない	
Н	しない	

[4] M. Yajima, et al, Journal of Plasma Science and Technology, in Press.

→ ガス依存性を、解明のターゲットに!

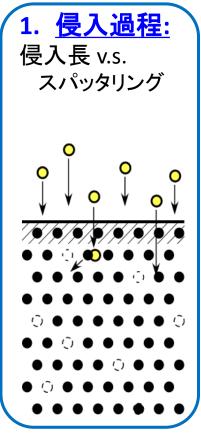
①BCAの結果: スパッタリングv.s. 侵入長



• スパッタリング閾値: He~200eV, Ne~50eV, Ar ~ 40eV

・ 侵入長: He~100 Å, Ne~6 Å, Ar ~ 4Å cf. タングステンの格子定数~ 3.1 Å

NeとAr は侵入する前に、スパッタリングによりWを腐食
→ 実験事実と符合!



④綿毛(Fuzz)構造: モンテカルロ+分子動力学(MC-MD)

MDの計算: 10⁻¹¹秒 cf. 繊維状構造形成: **1000**秒

- ⇒ MC+MDで、計算時間を稼ぐ。
 - 1. He**を、侵入過程を模擬して、発生**。
 - 2. モンテカルロで、Heを拡散(random walk)。
 - 3. 分子動力学で、He+Wを時間発展。

<u>繊維状構造の成長</u>

Surf. temp.:1400 K, Ion energy: 50 eV

<1x10²⁵ He⁺/m²



*ファズが生えたように見える。

【課題1】

- ・ 二次元系だと、バブルの破裂による"めくり上がり"が大きすぎ。
 - ∵ 奥行き方向の厚みの薄く、材料の強度が弱すぎる。

>2x10²⁵ He⁺/m²

STEP2:過去に開発したMC+MDコード:三次元系

3次元系で 照射過程を解かず、Heを材料内に直接挿入

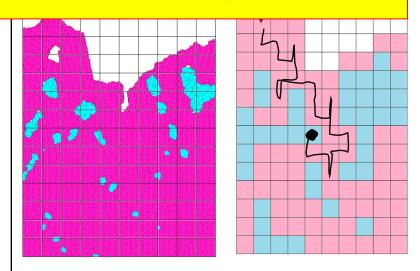
米国グループのFull-MD[Hammond Acta Mater. (2018)]でも同様に直接挿入

*バブルの成長・破裂までは再現できる。

【課題2】

・表面の穴が小さく、やがて埋まってしまい、

成長が促進せず、大きなファズができない。



^{*}S. Kajita, et al., Nucl. Fusion. 49 (2009) 095005.

【ここから得られる改良方針】

- <u>1)ファズの発生・成長には、連続照射が必要</u>⇒BCA-MD
- 2)ファズの成長促進には、弾き出しエネルギー改良要!
- 3)Heのタングステンへの拡散も必要 ⇒ MC-MD

BCA+MC+MD コード 開発 (結果を次頁)

* 弾き出しエネルギーも改良!

トリチウム壊変効果のDNA分子動力学シミュレーション

背景

トリチウムから放出されるβ線の飛程は短いため外部被曝が問題となることはほとんどなく、内部被曝に対する防護が重要となる。とりわけ、β線によるDNA損傷や、置換したトリチウムがヘリウム3へと壊変した場合のDNA損傷などが問題視されている。

DNAへの放射線の影響

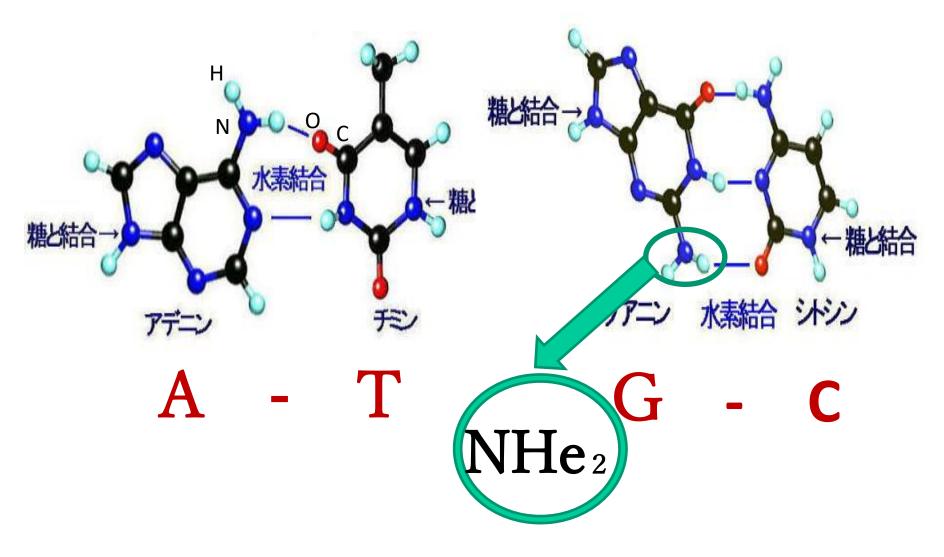
- ・直接作用・・・放射線がDNAに直接ヒット
- ・間接作用・・・放射線誘起フリーラジカルや活性酸素がDNAを攻撃
- ・壊変効果・・・DNA中の¹Hに置換した³Hが³Heに壊変し、化学結合が切断

<u>目的</u>

損傷の分子メカニズムは、いまだ未解決の問題である。

- ⇒ ヘリウム3への壊変に伴うDNAの構造変化を分子動力学計算で予測
 - 注)・実験は、富山大で。 NIFSでは行わない。
 - •NIFSでは、シミュレーションのみ。

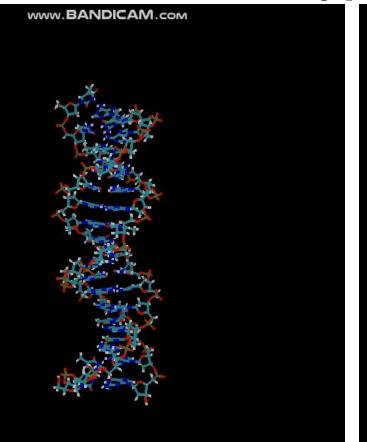
塩基間の水素結合



http://www.tennoji-h.oku.ed.jp/tennoji/oka/2008/08ko-136.html

分子動力学の準備状況(グアニンのHの一部をHeに置換)

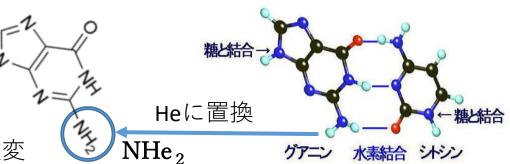
<u>310K</u>





DNA(ヒトtelomere配列の一部)
TCTAGGGTTAGGGTTAG
AGATCCCAATCCCAATC

MD計算:NAMD, 力場: charm36を改変



全体のまとめ

分子動力学シミュレーションを用いて、材料のシミュレーション研究を行ってきた。

- 1. 炭素材での分子動力学シミュレーション技法の開発
- 2. タングステンファズ構造形成解明のための、BCA-MD-KMCのハイブリッド法の 開発
- 3. トリチウム壊変による生体高分子シミュレーション